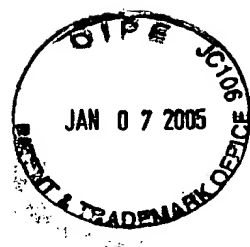


Fig.1.



196x.seq	1	60
Mcomm.seq	GT.....TAGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCTTAAACACATGC	
	NAAACTGAAGAGTTTGATCATGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCTTAA.CACATGC	
196x.seq	61	120
Mcomm.seq	AAGTCGAGCGGTAACAGGGG.AGCTTGCTCCT.GCTGACGAGCGGCGGACGGGTGAGTAA	
	AAGTCGAGCGGTAACATTGCTAGCTTGCTAGAAGATGACGAGCGGCGGACGGGTGAGTAA	
196x.seq	121	180
Mcomm.seq	CGCGTAGGAATCTGCCTAGTAGAGGGGACAACATGTGGAAACGCATGCTAATACCGCAT	
	CGCGTAGGAATCTGCCTAGTAGTGGGGGACAACATGTGGAAACGCATGCTAATACCGCAT	
196x.seq	181	240
Mcomm.seq	ACGCCCTGAGGGGGAAGGAGGGGACTCTTCGGAGCCTTCCGCTATTAGATGAGCCTGCG	
	ACGCCCTACGGGGGAAGGAGGGNN.TCTTCGGA.CCTTTCGCTATTAGATGAGCCTGCG	
196x.seq	241	300
Mcomm.seq	TGAGATTAGCTAGTTGGTAGGGTAAAGGCCTACCAAGGCGACGATCTCTAACTGGTCTGA	
	TGAGATTAGCTAGTTGGTGGGGTAAAGGCCTACCAAGGCGACGATCTCTAGCTGGTCTGA	
196x.seq	301	360
Mcomm.seq	GAGGATGACCAGTCACACTGGGACTGAGACACGGCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGT	
	GAGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGT	
196x.seq	361	420
Mcomm.seq	GGGGAATATTGGACAATGGGCGCAAGCCTGATCCAGCCATGCCGCGTGTGTGAAGAAGGC	
	GGGGAATATTGGACAATGGGCGCAAGCCTGATCCAGCCATGCCGCGTGTGTGAAGAAGGC	
196x.seq	421	480
Mcomm.seq	CTTAGGGTTGTAAAGCACTTTCAGGGGTGAGGAAGGGTGATAGGTTAATACGTTATCATC	
	CTTAGGGTTGTAAAGCACTTTCAGGAGTGAGGAAGGGCGTATAGTTAATACCTGTATGTT	
196x.seq	481	540
Mcomm.seq	TTGACGTTAGCCCCAGAAGAAGCACCGGCTAACTCTGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACAG	
	TTGACGTTAACTCCAGAAGAAGCACCGGCTAACTCTGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACAG	
196x.seq	541	600
Mcomm.seq	AGGGTGCAAGCGTTAATCGGAATTACTGGGCGTAAAGCGCGCGTAGGTGGTTTGTTAAGT	
	AGGGTGCGAGCGTTAATCGGAATTACTGGGCGTAAAGCGCGCGTAGGCGGTTTGTTAAGT	
196x.seq	601	660
Mcomm.seq	CGGATGTGAAATCCCAGGGCTCAACCTTGGAATGGCACCCGATACTGGCTAGCTAGAGTA	
	CGGATGTGAAATCCCAGGGCTCAACCTTGGAATGGCACCCGATACTGGCAGGCTAGAGTA	
196x.seq	661	720
Mcomm.seq	TGGTAGAGGGGTGTGGAATTTCTGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATAGGAAGGAACA	
	CGGTAGAGGGGTGTGGAATTTCTGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATAGGAAGGAACA	
196x.seq	721	780
Mcomm.seq	TCAGTGGCGAAGGCGACACCCTGGACTAATACTGACACTGAGGTGCGAAAGCGTGGGGAG	
	TCAGTGGCGAAGGCGACACCCTGGACCGATACTGACGCTGAGGTGCGAAAGCGTGGGGAG	
196x.seq	781	840
Mcomm.seq	CAAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGATGTCTACTAGCCGTTGGGT	
	CAAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGATGTCTACTAGCCGTTGGGG	
196x.seq	841	900
Mcomm.seq	.TGTAATGACTTAGTGGCGCAGCTAACGCAATAAGTAGACCGCCTGGGGAGTACGGCCGC	
	ATNTATTTCTTTAGTGGCGCAGCTAACGCGATAAGTAGACCGCCTGGGGAGTACGGCCGC	
196x.seq	901	960
Mcomm.seq	AAGGTTAAAACTCAAATGAATTGACGGGGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAA	
	AAGGTTAAAACTCAAATGAATTGACGGGGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAA	
196x.seq	961	1020
Mcomm.seq	TTCGAAGCAACGCGAAGAACCCTTACCTACTCTTGACATCCACAGAACATTTGAGAGATCA	
	TTCGAANNAACGCGAAGAACCCTTACCTACTCTTGACATCCAGAGAACTTTCAGAGATGA	



Fig.1(cont.)

	1021	1080
196x.seq	GATGGTGCCTTCGGGAAC	TGTGAGACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTTGTG
Mcomm.seq	ATTGGTGCCTTCGGGAAC	CTGAGACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTTGTG
	1081	1140
196x.seq	AAATGTTGGGTTAAGTCCCGTAACGAGCGCAACCCTTGTCTTATTTGCCAGCACGTAAT	
Mcomm.seq	AAATGTTGGGTTAAGTCCCGTAACGAGCGCAACCCTTATCCTTATTTGCCAGCACTTCG.	
	1141	1200
196x.seq	GGTGGGAAC	TTAAGGAGACTGCCGGTGACAAACCGGAGGAAGGTGGGGACGACGTCAAG
Mcomm.seq	GGTGGNAAC	CTAAGGAGACTGCCGGTGACAAACCGGAGGAAGGTNGGNNGACGTCAAG
	1201	1260
196x.seq	TCATCATGGCCCTTACGAGTAGGGCTACACACGTGCTACAATGGCGTATACAGAGGGCTG	
Mcomm.seq	TCATCATGGCCCTTACGAGTAGGGCTACACACGTGCTACAATGGCGTATACAGAGGGCAG	
	1261	1320
196x.seq	CAAGCTAGCGATAGTGAGCGAATCCCAAAAGTACGTCGTAGTCCGGATTGGAGTCTGCA	
Mcomm.seq	CGAACTCGCGAGGGTAAGCAAATCCCAAAAAGTACGTCGTAGTCCGGATTGGAGTCTGCA	
	1321	1380
196x.seq	ACTCGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTAATCGTGAATCAGAATGTCACGGTGAATAC	
Mcomm.seq	ACTCGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTAATCGTGAATCAGAATGTCACGGTGAATAC	
	1381	1440
196x.seq	GTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACACCATGGGAGTTGATTGCTCCAGAAGTAG	
Mcomm.seq	GTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACACCATGGGAGTTGATTGCTCCAGAAGTAG	
	1441	1500
196x.seq	CTAGCTTAACCCCTTCGGGGATGGCGGTTACCACGGAGTGGTCAATGACTGGGGTTGAAGT	
Mcomm.seq	CTAGCTTAACCTNC..GGGATGGCGGTTACCACGGAGTGGTCAATGA.....	
	1501	
196x.seq	CTACGCG	
Mcomm.seq	



Fig.2.

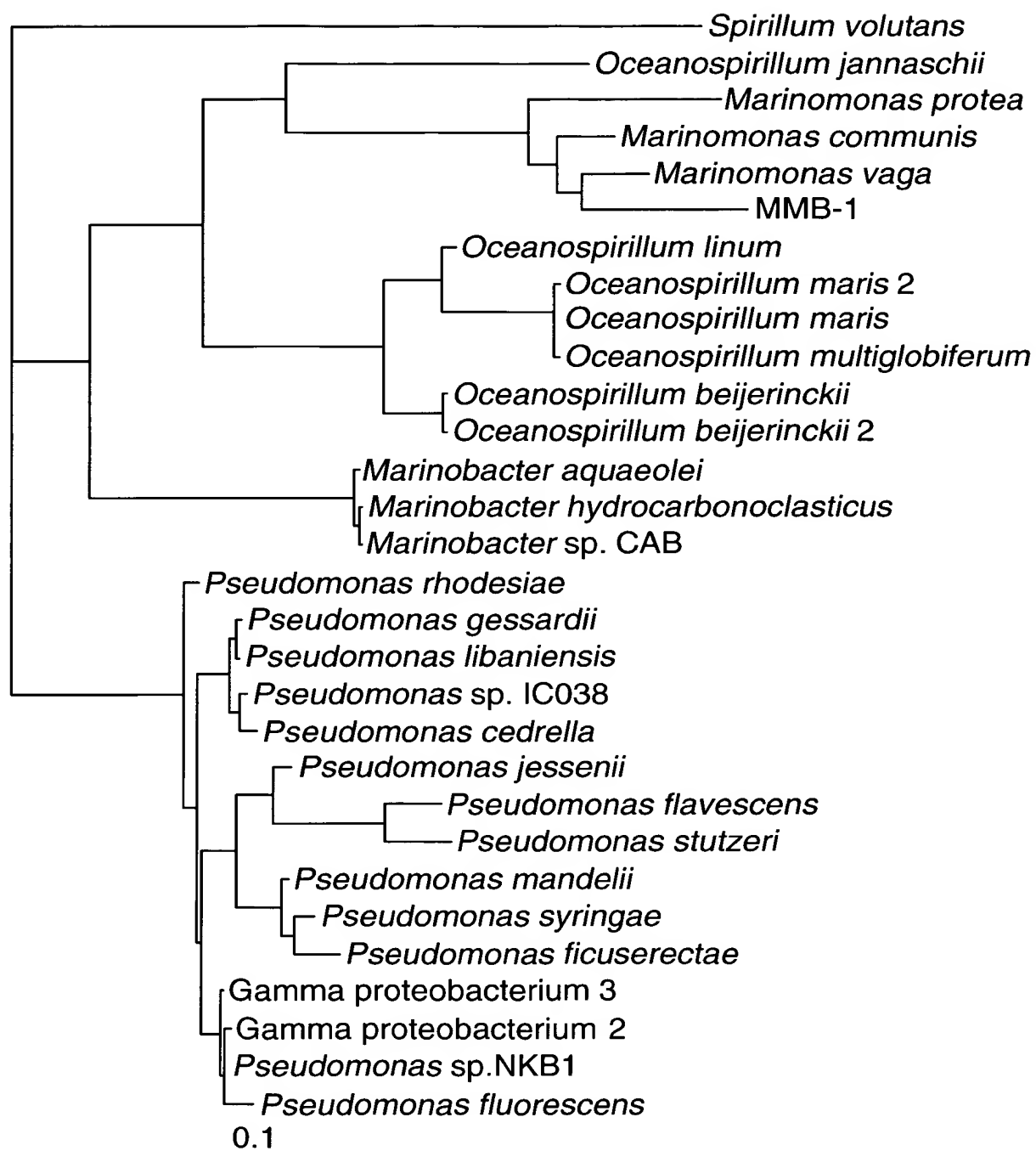




Fig.3(cont.)i

496 GCCAGCAGCCGCGGTAATACAGAGGGTGCAAGCGTTAATCGGAATTACTG 545
|||||
499 gccagcagccgcggtataacagaggggtgcaagcggttaatcggaattactg 548

546 GGCGTAAAGCGCGCGTAGGTGGTTTGTAAAGTTGGATGTGAAATCCCCGG 595
|||||
549 ggcgtaaagcgcgcgtaggtggtttgttaagtcggatgtgaaatcccagg 598

596 GCTCAACCTGGGAACTGCATTCAAACTGACTGACTAGAGTATGGTAGAG 645
|||||
599 gctcaaccttggaatggcaccgcgatactggctagctagagtatggtagag 648

646 GGTGGTGGAATTTCTGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATAGGAAGGAA 695
||
649 ggggtgtggaatttctgtgttagcgggtgaaatgcgtagatataggaaggaa 698

696 CACCAGTGGCGAAGGCGACCACCTGGACTAATACTGACACTGAGGTGCGA 745
||
699 catcagtggcgaaggcgacaccctggactaatactgacactgaggtgcga 748

746 AAGCGTGGGGAGCAAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAA 795
|||||
749 aagcgtggggagcaaacaggattagataccctggtagtccacgccgtaaa 798



Fig.3(cont.)ii

796 CGATGTCAACTAGCCGTTGGAAGCCTTGAGCTTTTAGTGGCGCAGCTAAC 845
||||| ||||||||| | | | |||||||||
799 cgatgtctactagccgttgg..gttgtaatgacttagtggcgagctaac 846

846 GCATTAAGTTGACCGCCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGTTAAACTCAAAT 895
||| ||||| ||||||||| ||||||||| ||||||||| |||||||||
847 gcaataagtagaccgcctggggagtagcgccgcaagggttaaactcaaat 896

896 GAATTGACGGGGGCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGAAG 945
||||| ||||||||| ||||||||| ||||||||| ||||||||| |||||||||
897 gaattgacggggggcccgcacagcggtggagcatgtgggtttaattcgaag 946

946 CAACGCGAAGAACCTTACCAGGCCTTGACATCCAATGAACTTTCTAGAGA 995
||||| ||||||||| ||||||||| ||||| || |||||
947 caacgcgaagaaccttacctactcttgacatccacagaacatttgagaga 996

996 TAGATTGGTGCCTTCGGGAACATTGAGACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTC 1045
| ||||||||| ||||||||| ||||||||| ||||||||| |||||||||
997 tcagatggtgccttcgggaactgtgagacaggtgctgcatggctgtcgtc 1046

1046 AGCTCGTGTGTGAAATGTAAGGGC..... 1070
||||| |||||
1047 agctcgtgtgtgaaatgttggttaagtcccgtaacgagcgcaaccctt 1096



7/13

Fig.4.

```

                                10      20      30      40      50
Isolate 20      GCCCTTGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCTAACACATGCAAGTCGAGC
                  : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
P.synx AGAGTTTGATCTTGGCTCAGATTGAACGCTGGCGGCAGGCCTAACACATGCAAGTCGAGC
                   10      20      30      40      50      60

                   60      70      80      90      100     110
GGTAGAGAGAAGCTTGCTTCTCTTGAGAGCGGCGGACGGGTGAGTAATGCCTAGGAATCT
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
GGTAGAGAGAAGCTTGCTTCTCTTGAGAGCGGCGGACGGGTGAGTAATGCCTAGGAATCT
                   70      80      90      100     110     120

                   120     130     140     150     160     170
GCCTGGTAGTGGGGGATAACGTTTCGGAAACGGACGCTAATACCGCATACGTCCTACGGGA
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
GCCTGGTAGTGGGGGATAACGTTTCGGAAACGGACGCTAATACCGCATACGTCCTACGGGA
                   130     140     150     160     170     180

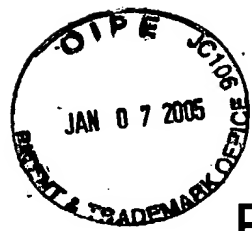
                   180     190     200     210     220     230
GAAAGCAGGGGACCTTCGGGCCTTGCGCTATCAGATGAGCCTAGGTCGGATTAGCTAGTT
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
GAAAGCAGGGGACCTTCGGGCCTTGCGCTATCAGATGAGCCTAGGTCGGATTAGCTAGTT
                   190     200     210     220     230     240

                   240     250     260     270     280     290
GGTGAGGTAATGGCTCACCAAGGCGACGATCCGTAAC TGGTCTGAGAGGATGATCAGTCA
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
GGTGAGGTAATGGCTCACCAAGGCGACGATCCGTAAC TGGTCTGAGAGGATGATCAGTCA
                   250     260     270     280     290     300

                   300     310     320     330     340     350
CACTGGAAC T GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACA
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
CACTGGAAC T GAGACACGGTCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTGGGGAATATTGGACA
                   310     320     330     340     350     360

                   360     370     380     390     400     410
ATGGGCGAAAGCCTGATCCAGCCATGCCGCGTGTGTGAAGAAGGTCTTCGGATTGTAAAG
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
ATGGGCGAAAGCCTGATCCAGCCATGCCGCGTGTGTGAAGAAGGTCTTCGGATTGTAAAG
                   370     380     390     400     410     420

                   420     430     440     450     460     470
CACTTTAAGTTGGGAGGAAGGGTTGTAGATTAACTCTGCAATTTTGACGTTACCGACA
: : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
CACTTTAAGTTGGGAGGAAGGGTTGTAGATTAACTCTGCAATTTTGACGTTACCGACA
                   430     440     450     460     470     480
```



8/13

Fig.4(cont.)i

```

      480      490      500      510      520      530
GAATAAGCACCGGCTAACTCTGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACAGAGGGTGCAAGCGTTA
:
:
GAATAAGCACCGGCTAACTCTGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACAGAGGGTGCAAGCGTTA
      490      500      510      520      530      540

      540      550      560      570      580      590
ATCGGAATTACTGGGCGTAAAGCGCGCGTAGGTGGTTTGTTAAGTTGGATGTGAAATCCC
:
:
ATCGGAATTACTGGGCGTAAAGCGCGCGTAGGTGGTTTGTTAAGTTGGATGTGAAATCCC
      550      560      570      580      590      600

      600      610      620      630      640      650
CGGGCTCAACCTGGGAACTGCATTCAAACTGACTGACTAGAGTATGGTAGAGGGTGGTG
:
:
CGGGCTCAACCTGGGAACTGCATTCAAACTGACTGACTAGAGTATGGTAGAGGGTGGTG
      610      620      630      640      650      660

      660      670      680      690      700      710
GAATTTCTGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATAGGAAGGAACACCAGTGGCGAAGGCG
:
:
GAATTTCTGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGATATAGGAAGGAACACCAGTGGCGAAGGCG
      670      680      690      700      710      720

      720      730      740      750      760      770
ACCACCTGGACTAATACTGACACTGAGGTGCGAAAGCGTGGGGAGCAAACAGGATTAGAT
:
:
ACCACCTGGACTAATACTGACACTGAGGTGCGAAAGCGTGGGGAGCAAACAGGATTAGAT
      730      740      750      760      770      780

      780      790      800      810      820      830
ACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGATGTCAACTAGCCGTTGGAAGCCTTGAGCTTTTAG
:
:
ACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGATGTCAACTAGCCGTTGGAAGCCTTGAGCTTTTAG
      790      800      810      820      830      840

      840      850      860      870      880      890
TGGCGCAGCTAACGCATTAAGTTGACCGCCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGTTAAAACCTCA
:
:
TGGCGCAGCTAACGCATTAAGTTGACCGCCTGGGGAGTACGGCCGCAAGGTTAAAACCTCA
      850      860      870      880      890      900

      900      910      920      930      940      950
AATGAATTGACGGGGGCCCGCACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGAAGCAACGCG
:
:
AATGAATTGACGGGGGCCCGCACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGAAGCAACGCG
      910      920      930      940      950      960

      960      970      980      990      1000      1010
AAGAACCTTACCAGGCCTTGACATCCAATGAACTTTCTAGAGATAGATTGGTGCCTTCGG
:
:
AAGAACCTTACCAGGCCTTGACATCCAATGAACTTTCTAGAGATAGATTGGTGCCTTCGG
      970      980      990      1000      1010      1020
```

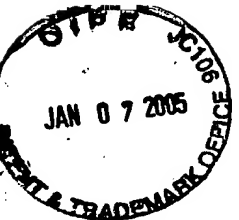



Fig.4(cont.)ii

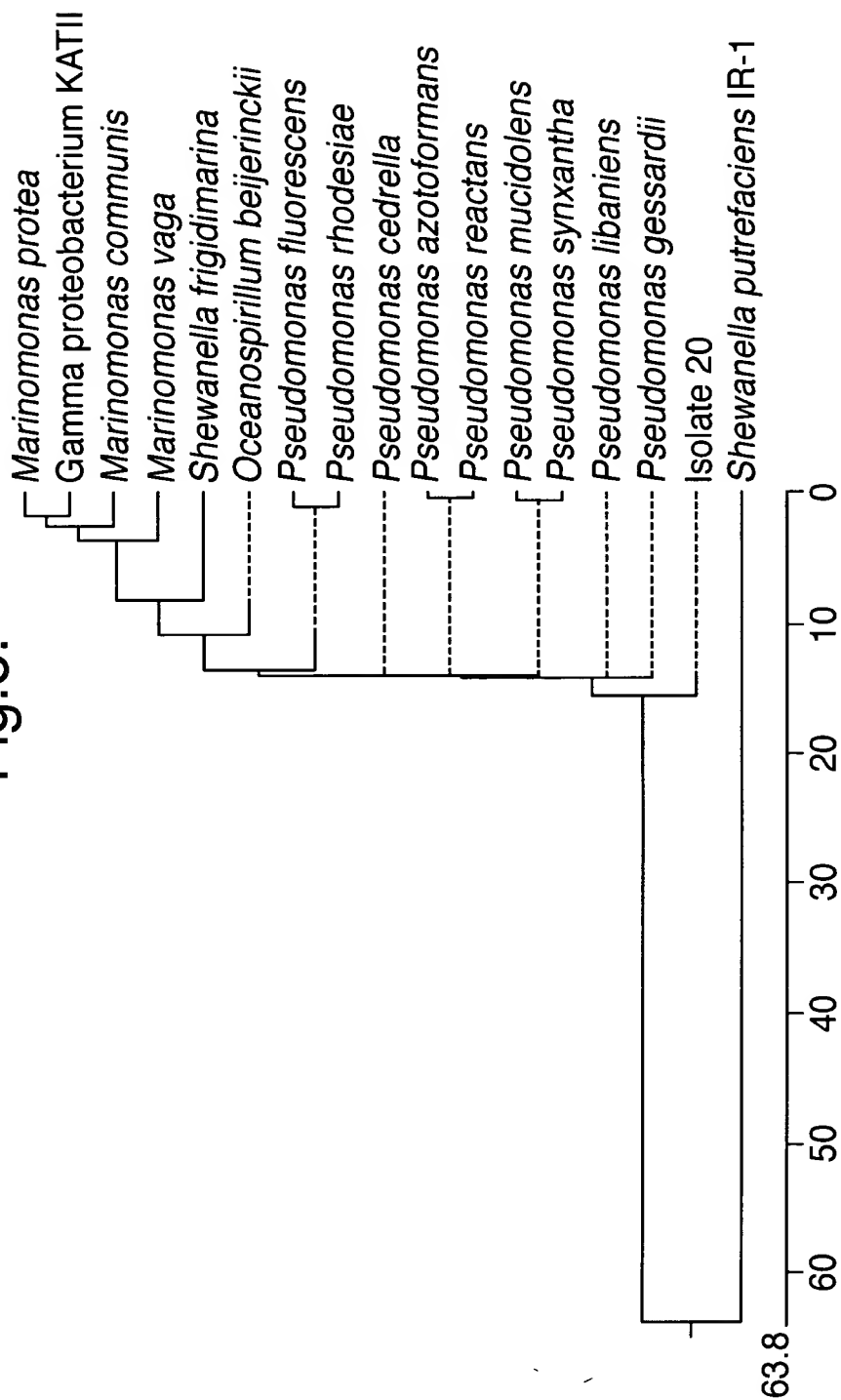
```
      1020      1030      1040      1050      1060      1070
GAACATTGAGACAGGTGCTGCGTCAGCTCGTGTGTTGTGAAATGTAAGGGC
:::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: :
GAACATTGAGACAGGTGCTGCGTCAGCTCGTGTGTTGTGAGATGTTGGGTTAA
      1030      1040      1050      1060      1070      1080

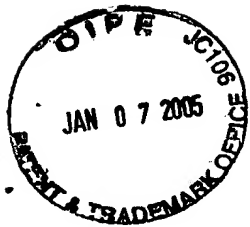
GTCCCGTAACGAGCGCAACCCTTGTCTTAGTTACCAGCACGTAATGGTGGGCACTCTAA
      1090      1100      1110      1120      1130      1140
```



10/13

Fig.5.





11/13

Fig.6A.

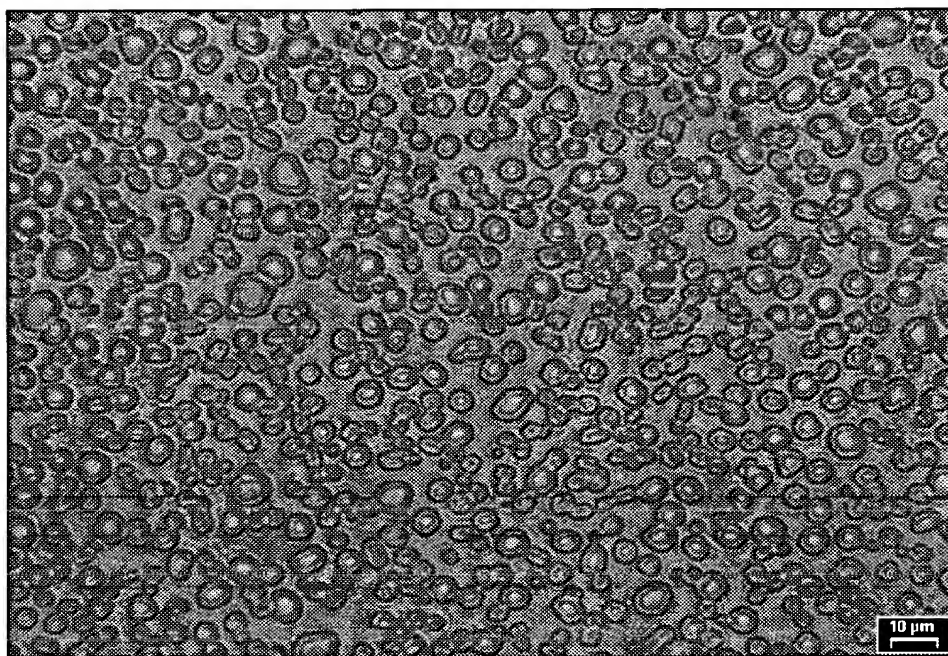
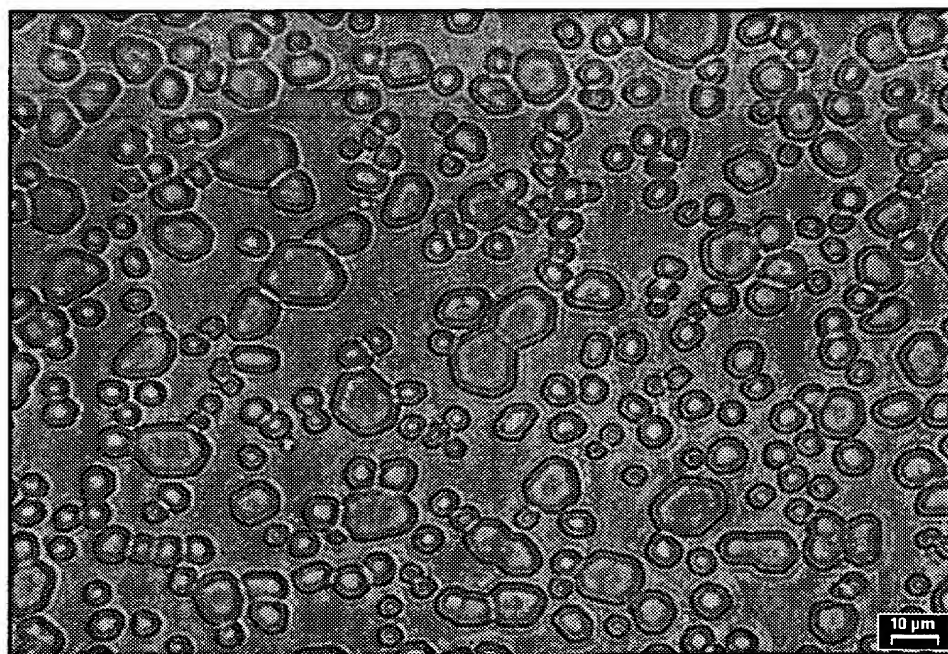


Fig.6B.





12/13

Fig.7.

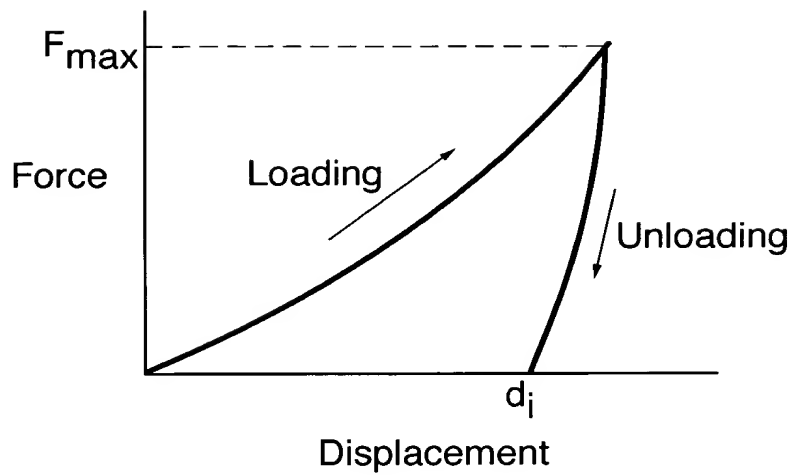
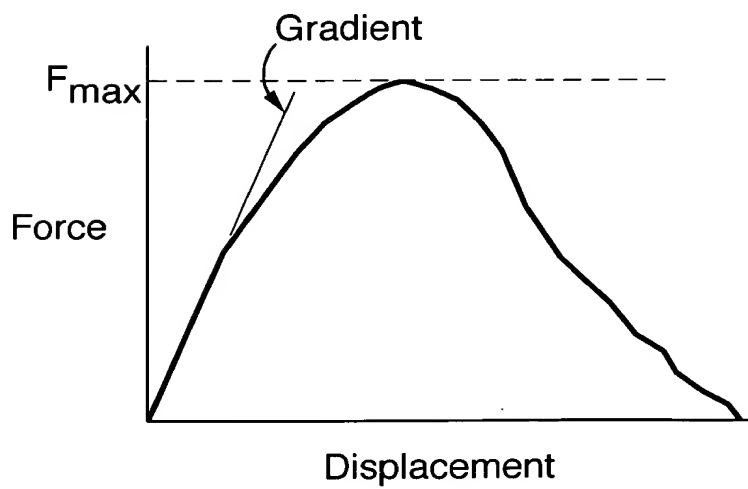


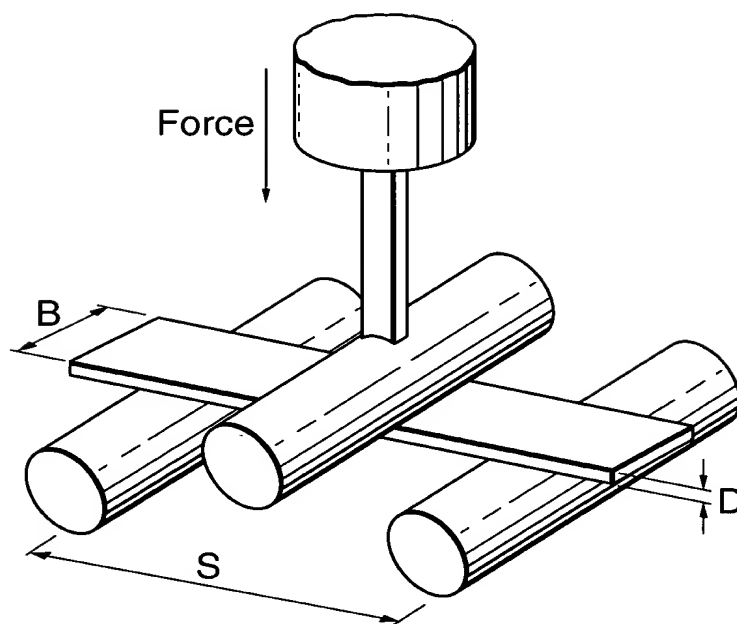
Fig.8.





13/13

Fig.9.



Span (S) 30mm
Depth (D) ~2mm
Width (B) 10mm